



<https://www.revclinesp.es>

I/H-18. - ANÁLISIS DE LAS CARACTERÍSTICAS EPIDEMIOLÓGICAS, VIROLÓGICAS Y GENÉTICAS DE LA INFECCIÓN CRÓNICA POR EL VIRUS DE LA HEPATITIS C EN UNA COHORTE DE PACIENTES COINFECTADOS POR EL VIH EN EL ÁREA SANITARIA DE CARTAGENA (MURCIA). PERÍODO 2013-2014

F. Vera Méndez¹, C. Smilg Nicolás¹, L. Martínez Fernández¹, J. Trujillo Santos¹, L. Martínez Martínez², P. Escribano Viñas¹, M. del Amor Espín³, A. Jimeno Almazán⁴

¹Servicio de Medicina Interna, ²Unidad de Biología Molecular, ³Servicio de Microbiología. Hospital General Universitario Santa Lucía. Cartagena. Murcia.

Resumen

Objetivos: Analizar las características epidemiológicas, virológicas, genotípicas y genéticas del VHC en sujetos coinfectados VIH-VHC.

Métodos: Estudio de cohortes prospectivo en la que se analizaron durante el periodo 1 de enero de 2013 a 30 de mayo de 2014, las principales variables epidemiológicas de la hepatitis C (género, edad, mecanismo principal de transmisión), situación virológica del VHC [carga viral (CV) VHC UI/mL], análisis de los genotipos más frecuentes del VHC (1a, 1b, 2, 3 y 4) y determinación por técnicas moleculares de los haplotipos más frecuentes (CC, CT y TT) del polimorfismo genético del gen de la interleucina B 28 (IL B28) (SNP rs12979860) del cromosoma 19.

Resultados: En la cohorte de pacientes coinfectados VIH-VHC de nuestro hospital se incluyeron 205 pacientes, siendo 157 varones (77%) y 48 mujeres (23%), con una edad media de 45,8 años (DE: 5,9). Los principales mecanismos de transmisión del VHC fueron: usuario a drogas intravenosas (UDI) (N = 171; 83%), relaciones heterosexuales (N = 26; 13%), relaciones homosexuales entre varones (N = 4; 2%), transfusiones de sangre o de hemoderivados (N = 1; 0,5%) y desconocido (N = 3; 1,5%). En 149 pacientes (72,7%) la CV VHC fue detectable en la última determinación virológica, siendo la mediana de CV VHC 867,500 UI/ml (RIC: 276,000 UI/mL). Los genotipos del VHC más frecuentes realizados en 170 pacientes (83%) fueron: 1a (N = 80; 47%), 4 (N = 32; 19%), 3 (N = 31; 18%) y 1b (N = 27; 16%). La determinación del polimorfismo genético de la IL B28 se realizó en 158 (77%) pacientes, siendo los haplotipos más frecuentes: CT (N = 77; 49%), CC (N = 63; 40%) y TT (N = 18; 8,8%).

Discusión: En España, Europa y Estados Unidos, sigue siendo el mecanismo más frecuente de transmisión del VHC el haber tenido contacto con drogas intravenosas. A nivel mundial, el genotipo 1 es el más prevalente, aunque en zonas de África central y Sudáfrica los genotipos 4 y 5 son más frecuentes. En nuestra serie se describe una proporción muy alta de viremias detectables para el VHC, lo que se traduce en una baja tasa de sujetos que se han curado del VHC en nuestro hospital, bien por la falta de respuesta al tratamiento antiviral convencional (INF-pegilado-ribavirina), bien por baja proporción de sujetos que han recibido un tratamiento o bien por las restricciones en las indicaciones de usos y en el acceso a nuevos antivirales directos por su importante toxicidad y alto impacto en el gasto farmacéutico. Al igual que en otra series, el

haplotipo CC que se asocia a mejor respuesta a terapia antiviral en genotipos 1 y 4, se documenta en el 30-40% de los casos.

Conclusiones: La mayoría de pacientes de nuestra cohorte de coinfectados VIH-VHC eran varones cuyo mecanismo principal de transmisión fue ser UDI. La mayoría de pacientes coinfectados de nuestra cohorte tenían viremias detectables para el VHC, siendo los genotipo 1a y 4, los más prevalentes. El haplotipo CC del polimorfismo genético SNP rs12979860 que codifica para la IL B28 se observó en el 40%, siendo el haplotipo CT el más prevalente.